Mathematical Human Biology



データから見て、数理モデルから考えるヒト生物学

October 29th, 2021

Opening (10:00~10:30)

- Opening 挨拶
- 斎藤 通紀(ASHBi 拠点長)「ヒト生物学」

午前セッション (10:30~12:30)

• **望月 敦史**(京都大学) 「遺伝子ネットワークの構造に基づく 細胞運命の操作」

• 井元 佑介(京都大学)

「シングルセルシークエンスデータ 解析の次元の呪いと数学的アプロー

午後セッション (14:00~17:00)

• **寺前 順之介**(京都大学) 「自発揺らぎに基づく脳の計算学習原理」

• 森下喜弘 (RIKEN)

「ヒト形態形成動態の理解に向けた データ・数理科学研究」

西浦博(京都大学)

「感染が広がるメカニズムはどこまで大切か」

Closing 挨拶 (17:00)

参加登録: https://ashbi.kyoto-u.ac.jp/ja/events/1st-ashbi-mathhub-workshop/

主催:京都大学高等研究院ヒト生物学高等研究拠点(WPI-ASHBi)

平岡 裕章、李 聖林











