

TapeStation/FemtoPulse による核酸の品質管理 (QC)

RNA QC (TapeStation)

Agilent Technologies TapeStation 4200 と RNA Screen Tape を用いた解析です。
原則として SignAC で RNA-seq 解析を依頼する方向けです。

サンプル濃度 : 25 ng/ μ L 以上
volume (RNA-seq 解析とは別に) : 4 μ L 以上

微量 RNA QC (TapeStation)

Agilent Technologies TapeStation 4200 と RNA HS Screen Tape を用いた解析です。
原則として SignAC で RNA-seq 解析を依頼する方向けです。

サンプル濃度 : 0.5 ng/ μ L 以上
volume (RNA-seq 解析とは別に) : 4 μ L 以上

NGS ライブラリ QC (TapeStation)

Qubit dsDNA HS キットでライブラリの濃度を測定し、
Agilent Technologies TapeStation 4200 と D5000 HS Screen Tape を用いて
ライブラリの平均長を測定する解析です。
原則として SignAC でイルミナ NGS 解析を依頼する方向けです。

サンプル濃度 : 10 pg/ μ L 以上
volume : 4 μ L 以上

長鎖 DNA の解析 (FemtoPulse)

Qubit dsDNA HS キットで DNA の濃度を測定し、
FemtoPulse と gDNA 165 kb キットを用いて
長鎖 DNA の平均長を測定する解析です。
原則として SignAC で PacBio での解析や Nanopore でのを依頼する方向けです。

サンプル濃度 : 250 pg/ μ L 以上
volume : 6 μ L 以上

依頼の流れ

1-1. KUMaCo での起案

正式な解析依頼は、京都大学医学研究支援センター iSAL/KUMaCo からご依頼をお願いいたします。

(iSAL/KUMaCo のユーザー登録が未だの場合は、下記サイトをご確認いただき、利用登録をお願いいたします)

<https://support-center.med.kyoto-u.ac.jp/isal/project/>

(iSAL/KUMaCo ユーザー登録済みの場合は、マイポータルより解析依頼をお願いいたします)

<https://mrsc.med.kyoto-u.ac.jp/portal/login/>

1-2. Redmine でのチケット作成

Redmine にサンプル名（チューブに書いてある情報）と濃度を記入したエクセル等のファイルを提出してください。

RNA-seq や illumina NGS run のチケットとは別に
チケットを作成ください

①依頼の名前

②説明

サンプルの詳細

データ送り先など

③依頼したい解析方法

- RNA (TapeStation)
- RNA High Sens (TapeStation)
- D5000 High Sens (TapeStation)
- Genomic DNA 165 kb (FemtoPulse)

④サンプル濃度

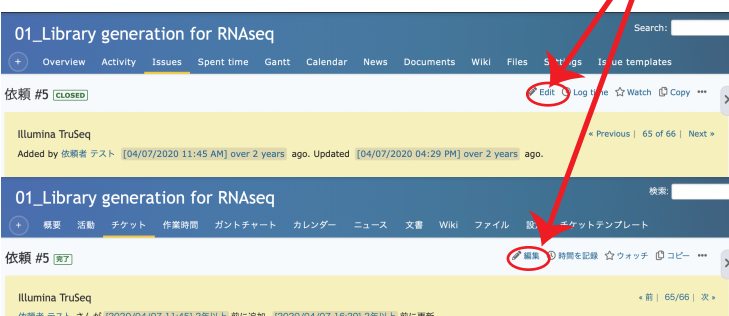
1 サンプルの場合はこちらにご記入ください
(複数サンプルの場合は⑦)

⑤人指針について

⑥サンプルの保管期限について

⑦サンプルの詳細（エクセルなど）
アップロードください。

コメントを書き加えたいとき

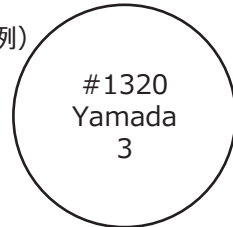


2 RNA, DNA サンプルについて

■ サンプルの準備



(例)



サンプルは原則 1.5 ml チューブに入れてください。

DNA Low bind tube を推奨しています。

8 サンプル以上の場合は 8 連チューブ、

24 サンプル以上は 96 well プレートでも可

注意事項

[RNA、微量 RNA]

* サンプル名、Nanodrop 等で測定した濃度の一覧をエクセルファイル等で提出してください。

[NGS ライブラリ、長鎖 DNA]

* サンプル名の一覧をエクセルファイル等で提出してください。濃度については、Qubit での測定が解析プランに含まれていますので、必ずしも必要ありません。

* Qubit で測定した濃度が上記の範囲の下限より低い場合は解析ができない場合がございます。その場合でも、原則として料金は請求させていただきます。

3 サンプル発送

■ 直接持ち込む場合

平日 9-17 時

京都大学医学部 B 棟 101

■ 宅配便等

平日 9-17 時

〒606-8501

京都市左京区吉田近衛町

京都大学医学部 B 棟 101

ASHBi ゲノム情報解析コア 宛

* 時間指定された場合はその時間を redmine でお知らせください

4 データ受け取り方法

原則として、ソフトウェアから出力した pdf ファイルを redmine 上にアップロードすることで納品とさせていただきます。

スミア解析等で、生データが必要な場合はあらかじめお伝えください。

5 サンプル、データの返却について

原則として、サンプル、データともに解析終了後 3 ヶ月を経過すると順次破棄いたします。

サンプルの返却をご希望の場合はあらかじめお伝えください。

SignAC での返却、着払いでの発送に対応しています。