

1st ASHBi Workshop for

Mathematical Human Biology

データから見て、数理モデルから考えるヒト生物学
October 29th, 2021

Opening (10:00~10:30)

- Opening 挨拶
- 齋藤 通紀 (ASHBi 拠点長) 「ヒト生物学」

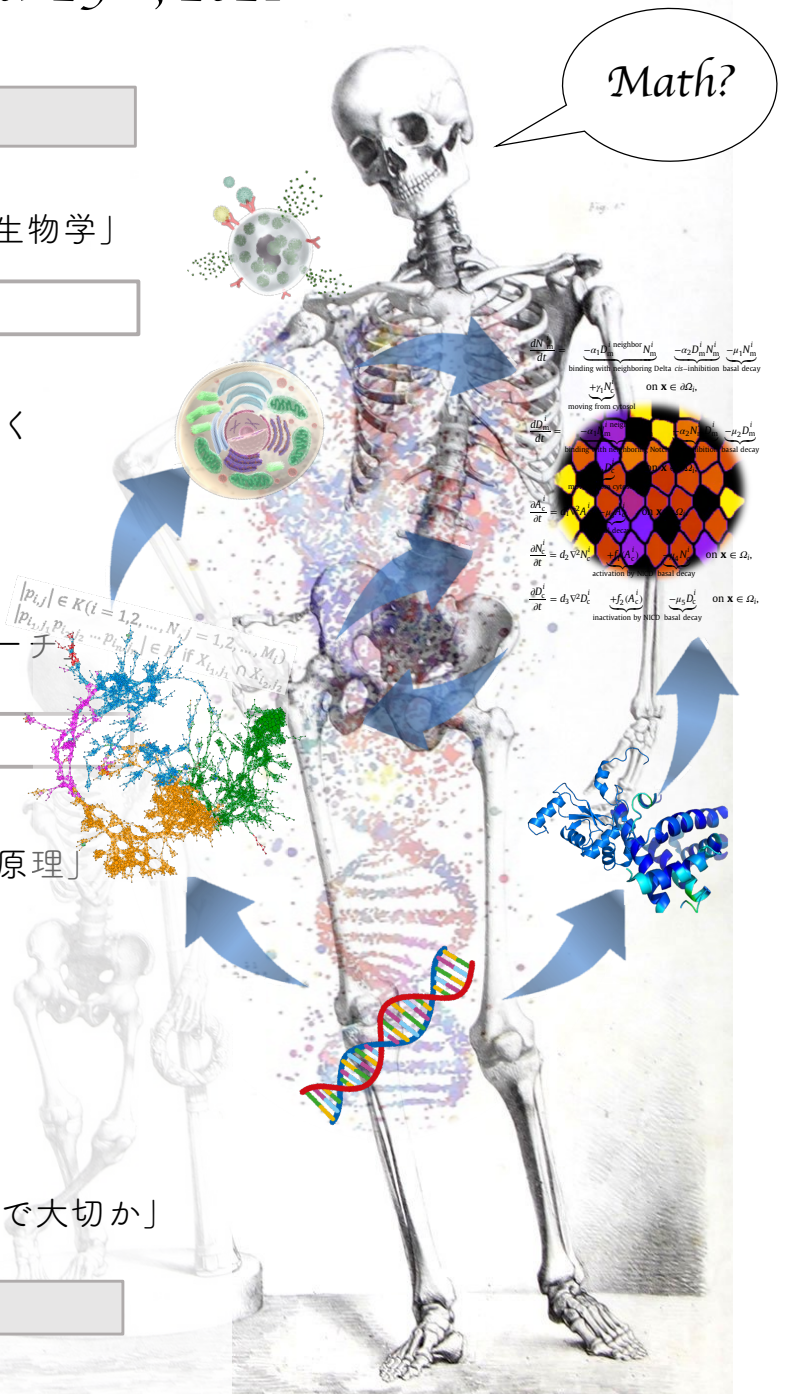
午前セッション (10:30~12:30)

- 望月 敦史 (京都大学)
「遺伝子ネットワークの構造に基づく細胞運命の操作」
- 井元 佑介 (京都大学)
「シングルセルシーケンスデータ解析の次元の呪いと数学的アプローチ」

午後セッション (14:00~17:00)

- 寺前 順之介 (京都大学)
「自発揺らぎに基づく脳の計算学習原理」
- 森下 喜弘 (RIKEN)
「ヒト形態形成動態の理解に向けたデータ・数理科学研究」
- 西浦 博 (京都大学)
「感染が広がるメカニズムはどこまで大切か」

Closing 挨拶 (17:00)



参加登録: <https://ashbi.kyoto-u.ac.jp/ja/events/1st-ashbi-mathhub-workshop/>



主催: 京都大学高等研究院ヒト生物学高等研究拠点 (WPI-ASHBi)
平岡 裕章、李 聖林



JPMJCR15D3